

بررسی پروتئین متصل شونده به پنی سیلین $\times 2$ در سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مقاوم به بتالاکتم جدا شده از بیماران در بیمارستانهای شهر تهران

سامان نوبیری^۱، فاطمه رحمتی قزلجه^۲، مهوش اسکوبی^{۳*}

۱. کارشناس ارشد میکروب شناسی، باشگاه پژوهشگران جوان، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد علوم و تحقیقات، تهران
۲. کارشناس ارشد میکروب شناسی، محقق بخش میکروب شناسی انسیتو پاستور ایران
۳. دکترای تخصصی باکتری شناسی، استادیار بخش میکروب شناسی انسیتو پاستور ایران

* نشانی برای مکاتبه: تهران، انسیتو پاستور ایران، بخش میکروب شناسی، تلفکس: ۰۲۱۶۶۴۰۵۵۳۵
oskouii1@yahoo.com
پذیرش برای چاپ: آذر نود
دریافت مقاله: مهر نود

چکیده

سابقه و هدف: در سال‌های اخیر به علت شیوع سویه‌های مقاوم به آنتی‌بیوتیک‌های موثر در درمان عفونت‌های پنوموکوکی درمان این عفونت‌ها با ابهام مواجه گشته است. در سویه‌های مقاوم کاهش در پتانسیل اتصال به آنتی‌بیوتیک‌ها در پروتئین‌های متصل شونده به پنی سیلین دیده می‌شود. هدف از این مطالعه تعیین میزان مقاومت آنتی‌بیوتیکی در سویه‌های بالینی استرپتوکوکوس پنومونیه و تعیین موتابسیون‌های رخ داده در $pbp2x$ می‌باشد.

روش کار: ایزوله پنوموکوکی از بیماران مبتلا به عفونت‌های پنوموکوکی جدا گردید. پس از شناسایی، الگوی حساسیت پذیری آنها با استفاده از روش دیسک دیفیوژن برای آنتی‌بیوتیک‌های آگزاسیلین، سفووتاکسیم، اریترومایسین، تتراسایلکلین و تری متپریم - سولفاماتوکسازول مورد ارزیابی قرار گرفت. MIC نسبت به پنی سیلین و سفووتاکسیم از طریق روش *Broth Micro dilution* تعیین شد. ژنهای $lytA$ و $pbp2x$ از طریق *PCR* تکثیر گردید و توالی‌های نوکلئوتیدی و اسید آمینه ای آنها تعیین توالی گردید. **یافته‌ها:** از ۵۱ سویه پنوموکوکی مورد بررسی، ۲۴ نمونه (۴۱/۳٪) دارای مقاومت حدواسط و ۱۴ نمونه (۲۴/۱٪) مقاومت کامل به پنی سیلین ($MIC \geq 2\mu g/ml$) داشتند. ۲۸ نمونه (۴۸/۲٪) مقاوم به تری متپریم - سولفاماتوکسازول، ۹ نمونه (۱۵/۵٪) مقاوم به اریترومایسین و ۱۰ نمونه (۱۷/۲٪) مقاوم به تتراسایلکلین بودند. ۱ نمونه (۱۳/۱٪) مقاومت به سفووتاکسیم را نشان می‌دادند. اغلب سویه‌های مقاوم به پنی سیلین و سفووتاکسیم مقاومت به یک یا چند آنتی‌بیوتیک دیگر را نیز نشان می‌دادند. همه سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم دارای تغییرات در *PBP2x* بودند.

نتیجه گیری: شیوع بالای سویه‌های مقاوم به بتالاکتم نشان دهنده بحرانی جدی در درمان عفونت‌های پنوموکوکی می‌باشد. نتایج ما نشان می‌دهد که تغییرات در موتیف‌های متصل شونده به پنی سیلین در *PBP2x* مرتبط با مقاومت با سفووتاکسیم در استرپتوکوکوس پنومونیه می‌باشد.

واژگان کلیدی: استرپتوکوکوس پنومونیه، مقاومت به بتالاکتم، *PBP2x*

مقدمه

بیوتیکی از اغلب نقاط جهان گزارش شد. این در حالی است که پس از شناسایی پنوموکوک‌های مقاوم به پنی سیلین در دهه ۱۹۶۰، در اوایل دهه ۱۹۷۰ تنها در تعداد محدودی از کشورها از جمله آفریقای جنوبی و اسپانیا سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مقاوم به پنی سیلین گزارش شده بود (۲). امروزه ظهور سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مقاوم به پنی سیلین $\times 2$ در سویه‌های مقاوم به چند آنتی‌بیوتیک معالجه عفونت‌های ناشی از استرپتوکوکوس پنومونیه را با اشکال مواجه ساخته است.

استرپتوکوکوس پنومونیه بیش از صد سال است که به عنوان یکی از مهم ترین پاتوژن‌های انسانی در اغلب نقاط جهان محسوب می‌گردد که عامل اکثر عفونت‌های اکتسابی از اجتماع نظری پنومونی و نیز عفونت‌های مهاجم مانند مننژیت، سینوزیت، عفونت گوش میانی و باکتریمی می‌باشد. همه ساله میزان بالایی از مرگ و میر در میان کودکان و سالمندان به علت عفونت‌های ایجاد شده توسط این باکتری رخ می‌دهد (۱). در اواخر قرن بیستم سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مقاوم به آنتی‌بیوتی کهای بتالاکتم به ویژه پنی سیلین و سویه‌هایی با مقاومت چند گانه آنتی

شرکت MAST انجام Kirby Bauer مکار است. در این روش، سوسپانسیون باکتری با کورت معادل ۰/۵٪ فارلندر تهیه و بر روی محیط مولر-هینتون آگار حاوی ۵٪ خون گوسفند تلقیح گردید و پس از ۲۴ ساعت گرم‌گذاری در دمای ۳۷°C و در حضور ۵٪ CO₂ قطره‌های عدم رشد اندازه گیری و با جداول ارائه شده توسط CLSI مقایسه گردید و سپس MIC سویه‌ها نسبت به پنی سیلین و سفوتاکسیم با استفاده از روش Broth micro dilution بر اساس دستورالعمل CLSI تعیین گردید (۱۲). از سویه استرپتوکوکوس پنومونیه ATCC 49619 جهت کنترل روش‌های آنتی‌بیوگرام و MIC استفاده گردید.

DNA زنومیک سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه از طریق کیت مخصوص استخراج Metabion miniprep. DNA طبق دستور العمل شرکت سازنده تخلیص گردید. DNA استخراج شده در ۱۰-۲۰۰ μl محلول Tris-EDTA حاوی RNase و در ۲۰°C- نگهداری شد. آزمون PCR جهت تکثیر ژنهای lytA و pbp2x با استفاده از پرایمرا و برنامه‌های زمانی منتشر شده انجام گرفت (۱۳ و ۱۴). به منظور انجام PCR Master Mix ۰/۵ میکرولیتر از DNA استخراج شده به PCR با حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر (هر یوبل حاوی ۰/۸ میلی مول MgCl₂، ۰/۲ میلی مول dNTP، ۰/۰۵ پیکومول از هر پرایمر و ۱ واحد آنزیم Taq Polymerase) اضافه گردید. محصول واکنش در ژل آگارز ۱٪ الکتروفورز گردیده و پس از رنگ آمیزی با اتیدیوم بروماید در دستگاه ژل داکیومنت بررسی و عکس برداری گردید.

پس از تکثیر ژن pbp2x از طریق PCR، محصولات PCR جهت تعیین توالی به شرکت Macrogen Research Korea در کشور فرستاده شد. عملیات Sequencing با استفاده از ABI Capillary System انجام گرفت. محصولات PCR در هر دو جهت تعیین توالی شد. توالی‌های نوکلئوتیدی و اسید آمینه ای pbp2x به دست آمده با استفاده از نرم افزارهای Blast، MEGA4، Chromas CIS آنالیز شد و یا یکدیگر و با توالی نوکلئوتیدی و اسید آمینه ای pbp2x سویه استرپتوکوکوس پنومونیه استاندارد حساس به پنی سیلین R6 (Bank Accession Number X16367) مقایسه شد (۱۵).

یافته‌ها

پس از انجام تست آنتی‌بیوگرام با استفاده از دیسک اگزاسیلین، ۱۶ نمونه (۲/۷۶٪) دارای هاله عدم رشد بزرگ تراز ۲۰ میلی متر بوده بنا بر این توجه به استانداردهای منتشر شده توسط CLSI به عنوان استرپتوکوکوس پنومونیه حساس به پنی سیلین (PSSP) شناسایی گردیدند. ۴۲ نمونه (۷۲/۴٪) دارای هاله عدم رشد کمتر از ۲۰ میلی متر بودند و به عنوان سویه‌های غیر حساس به پنی سیلین شناخته شدند. از ۵۸ سویه پنوموکوکی مورد بررسی، ۸ نمونه (۱۳/۸٪) به سفوتاکسیم، ۹ نمونه (۱۵/۵٪) به اریتروماسیین، ۱۰ نمونه (۱۷/۲٪) به تتراسایکلین و ۲۸ نمونه (۴۸/۲٪) به تری‌متوبیریم-سولفامتوکسازول مقاوم بودند. در عین حال تمامی سویه‌های مورد بررسی به وانکومایسین حساس بودند. از مجموع سویه‌های مورد بررسی ۹ نمونه (۱۵/۵٪) به ۳ یا بیش از آنتی‌بیوتیک مقاوم (دارای مقاومت چندگانه) بودند. ۴ نمونه (۶/۸٪) از سویه‌های دارای مقاومت چند گانه مقاومت بالایی به پنی سیلین (MIC_≥ ۲μg/ml) را نشان می‌دادند.

استرپتوکوکوس پنومونیه یکی از محدود گونه‌های باکتریایی است که بنا لاكتامازهای آن هنوز ناشناخته است و مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتامی در آن "کاملاً" وابسته به تغییرات در پروتئین‌های متصل شونده به پنی سیلین (PBPs) می‌باشد که میل ترکیبی آنها به پنی سیلین‌ها و سفالوسپورین‌ها را شدیداً "کاهش می‌دهد" (۳-۶). اغلب باکتری‌های گرم مثبت پپتیدوگلیکان چند لایه‌ای تولید می‌کنند در حالی که باکتری‌های گرم منفی تنها دارای یا تازکی از پپتیدوگلیکان می‌باشند. پروتئین‌های متصل شونده به پنی سیلین از گروه سرین پپتیدازهای هستند که پلیمریزاسیون و ترانس پپتیداسیون زنجیره‌های قندی را در طول مراحل نهایی بیوسنتز پپتیدوگلیکان بر عهده دارند. مکانیسمی که پنوموکوک‌ها این پروتئین‌های با میل ترکیبی کم خود را گسترش می‌دهند ناشناخته می‌باشد در حالی که آشکار شده است که تبادلات نوترکیبی بین گونه‌ای در آن دخیل می‌باشد (۷-۱۱).

ژنهای pbp2x، pbp2b، pbp1a در پنوموکوک‌های کاملاً حساس به پنی سیلین از نظر توالی نوکلئوتیدی کاملاً یک سان هستند. در حالی که در سویه‌های مقاوم به پنی سیلین دارای توالی‌های بسیار متفاوتی هستند و شامل نواحی "کاملاً" از هم دور شده می‌باشند که اغلب با ژنهای pbp همولوگ گونه‌های ویریدانس مثل استرپتوکوکوس میتیس و استرپتوکوکوس اورالیس مشابه می‌باشند (۶-۸). تبادلات نوترکیبی بین گونه‌ای و رویدادهای موتاسیون، هردو در گسترش پروتئین‌های متصل شونده به پنی سیلین با میل ترکیبی کم دخیل می‌باشند (۶).

هدف از این مطالعه بررسی پروتئین‌های متصل شونده به پنی سیلین ۲X در سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مقاوم به بتالاکتام جدا شده از بیماران جهت پی بردن به مکانیسم ایجاد مقاومت به بتالاکتامها در ایران می‌باشد.

روش کار

در طی سالهای ۱۳۸۰ الی ۱۳۸۹ ۳۰۰ نمونه مشکوک به استرپتوکوکوس پنومونیه از نمونه‌های مختلف بالینی از جمله خون و مایع مغزی نخاعی از بیمارستان‌های امام خمینی، حضرت رسول اکرم (ص)، سینا، مرکز طبی کودکان و آزمایشگاه بهار جمع آوری شد که پس از انجام آزمایش‌های تعیین هویت ۵۸ ایزوله به عنوان استرپتوکوکوس پنومونیه شناسایی شد. به منظور تعیین هویت نمونه‌های جمع آوری شده، ابتدا سویه‌ها بر روی محیط بلاد آگار حاوی ۵٪ خون گوسفند کشت داده شدند و در ۳۷°C ۵٪ CO₂ به مدت ۲۴ ساعت انکوبه شد و کلنی‌های کوچک، براق و همولیتیک حاصل از استرپتوکوکوس پنومونیه شناسایی گردید. جهت تعیین حساسیت به اپتوچین از دیسک اپتوچین (HiMedia

Laboratoris Pvt. Ltd) استفاده شد و سویه‌هایی با هاله عدم رشد بیش از ۱۴ میلی متر در اطراف این دیسک به عنوان حساس به اپتوچین انتخاب شد. تست حلالیت در صفراء با استفاده از نمک ذوزکسی کولات انجام شد و سوسپانسیون حاوی سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه در مجاورت آن پس از تقریباً ۳۰ دقیقه شفاف شد. از سویه استرپتوکوکوس پنومونیه ATCC 49619 در کلیه تست‌های تشخیصی به عنوان کنترل مثبت استفاده شد. جهت قطعیت در شناسایی سویه‌های پنوموکوکی از تکثیر ژن lytA که کد کننده اتولیزین پنوموکوکی می‌باشد استفاده گردید. پس از شناسایی، مقاومت سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه جدا شده نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های اگزاسیلین، اریتروماسیین، تتراسایکلین، سفوتاکسیم، کوتريموکسازول (TMP-SMZ)، و آمپی سیلین که همگی از

بحث

در سال‌های اخیر مطالعات پراکنده صورت گرفته در ایران، همگی شیوع بالایی از مقاومت به پنی سیلین را در استرپتوکوکوس پنومونیه گزارش کرده اند (۱۶-۱۷). در این مطالعه ما تلاش کردیم تا بررسی سویه‌های مقاوم به بتالاکتم‌ها از جمله پنی سیلین و سفووتاکسیم و سایر آنتی‌بیوتیک‌های رایج در درمان عفونت‌های پنوموکوکی، به جستجوی شاخص ملکولی برای تعیین مکانیسم مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌ها به ویژه آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتم بپردازیم.

در این بررسی از مجموع ۵۸ سویه استرپتوکوکوس پنومونیه مورد بررسی ۱۴ نمونه (۲۴/۱) دارای $2\mu\text{g}/\text{ml} \geq \text{MIC}$ بودند و مقاومت کامل به پنی سیلین را نشان می‌دادند. در حالیکه ۲۰ نمونه (۳۴/۴) استرپتوکوکوس پنومونیه حساسیت به پنی سیلین را داشتند ($\text{MIC} \leq 0.06\mu\text{g}/\text{ml}$). بنابراین با توجه به شناسایی ۲۴ سویه که مقاومت حد واسطه به پنی سیلین را داشتند به طور کلی ۳۸ نمونه (۶۵/۴) حساسیت کاهش یافته به پنی سیلین را نشان می‌دادند که بیان گر چالشی بزرگ برای درمان عفونت‌های پنوموکوکی از طریق تجویز پنی سیلین می‌باشد. در بررسی‌های صورت گرفته در برخی کشورهای آسیایی نیز میزان مقاومت به پنی سیلین به طور متوسط حدود ۷۰٪ گزارش شده است (۱۸). در برخی کشورهای اروپایی شیوع سویه‌های مقاوم به بتالاکتم‌ها در استرپتوکوکوس پنومونیه است (۱۹). در اسپانیا میزان مقاومت به بتالاکتم‌ها در سویه استرپتوکوکوس پنومونیه ۲۰٪ و میزان مقاومت حد واسطه به پنی سیلین ۲۶٪ می‌باشد. در انگلستان و چند کشور اروپایی شمالی در طی دهه ۱۹۹۰ و اوایل قرن بیست و یکم میزان مقاومت به پنی سیلین در کشور ایسلند سروتیپ پنوموکوک 6B که در اسپانیا شایع بوده و مقاومت بالایی از این سویه‌ها گزارش شده دیده شده و این سروتیپ مسئول بیش از ۲۰٪ از عفونت‌های پنوموکوکی بوده است و اغلب این سویه‌ها دارای مقاومت چند گانه بوده اند (۲۰). در آمریکا و هنگ کنگ نیز مشاهده ایسلند نشان داده شده است که افزایش در شیوع مقاومت به پنوموکوک‌ها ناشی از سروتیپ‌های شایع در اسپانیا می‌باشد. در کشور ما با وجود بررسی‌های صورت گرفته در مورد مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌ها در میان پنوموکوک‌ها، تا به حال در زمینه ارتباط میان مقاومت به پنوموکوک‌ها و سروتایپ‌های شایع اطلاعات دقیقی منتشر نشده است.

نکته جالب توجه این است که در میان سویه‌های مورد بررسی در این مطالعه، میزان مقاومت به پنی سیلین در میان نمونه‌هایی که طی سالهای ۱۳۷۹ تا ۱۳۸۳ جدا شده بودند ۱۶٪ (۴ نمونه از ۲۵ نمونه) بود در حالی که طی بازه زمانی ۱۳۸۴ تا ۱۳۸۹ این میزان به ۳۰٪ (۱۰ نمونه از ۳۳ نمونه) افزایش پیدا کرده است که به خوبی نشان دهنده افزایش مقاومت به پنی سیلین در طی بازه زمانی ذکر شده می‌باشد. قابل ذکر است که از ۹ نمونه دارای مقاومت چندگانه آنتی‌بیوتیکی در این مطالعه، ۸ نمونه در طی سالهای ۱۳۸۴ تا ۱۳۸۹ شناسایی شده اند. در بررسی‌های ما در بازه زمانی ۱۳۷۹ تا ۱۳۸۳ تنها ۲ نمونه مقاوم به سفووتاکسیم شناسایی شد در حالی که در طی بازه زمانی ۱۳۸۴ تا ۱۳۸۹ ۶ نمونه مقاوم به سفووتاکسیم شناسایی گردید که نشان می‌دهد میزان مقاومت به سفووتاکسیم از ۸٪ به ۱۸٪ افزایش پیدا کرده است. در کانادا در بررسی‌هایی که از طرف یک گروه مطالعات شیوع پنوموکوک طی سالهای ۱۹۹۷ الی ۲۰۰۲ صورت گرفت نشان داده شد که شیوع مقاومت به پنی سیلین از ۲/۶٪ در ۱۹۹۹ به ۳/۸٪ در ۲۰۰۲ افزایش یافته و در طی همین دوره میزان مقاومت چندگانه از ۲/۷٪ به ۸/۸٪ افزایش یافته نشان می‌دهد (۲۱). در مطالعات ما همگی سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم به پنی سیلین نیز مقاوم بودند که هم سو با نتایج به دست آمده از سایر مطالعات می‌باشد (۲۲-۲۴). در بررسی‌ها مقاومت به سایر آنتی‌بیوتیک‌ها بیشتر در میان سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مقاوم به بتالاکتم‌ها دیده شد. با وجود گزارش تحمل و انکومایسین در استرپتوکوکوس پنومونیه در سالهای اخیر (۲۵)، تا به حال مقاومت به این آنتی‌بیوتیک در جهان گزارش نشده است که احتمالاً ناشی از عدم گسترش شاخص‌های مقاومت به این آنتی‌بیوتیک در میان پنوموکوک‌ها می‌باشد. در بررسی‌های قبلی مانند همگی سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه و انکومایسین حساس بودند (۱۶).

پس از انجام تست MIC برای آنتی‌بیوتیک پنی سیلین بر اساس استانداردهای ۲۰. نمونه (۳۴/۴) دارای $0.06\mu\text{g}/\text{ml} \leq \text{MIC} \leq 0.1\mu\text{g}/\text{ml}$ بودند و به عنوان حساس به پنی سیلین (PSSP) شناسایی شدند. ۲۴ نمونه (۴/۳) دارای $0.1\mu\text{g}/\text{ml} \leq \text{MIC} \leq 1\mu\text{g}/\text{ml}$ بودند و مقاومت حد واسطه به پنی سیلین (PISP) را نشان می‌دادند. ۱۴ نمونه (۲۴/۱) دارای $2\mu\text{g}/\text{ml} \geq \text{MIC}$ بودند و به عنوان مقاوم به پنی سیلین (PRSP) شناسایی گردیدند. پس از انجام تست MIC برای آنتی‌بیوتیک سفووتاکسیم، ۵۰ نمونه (۸/۶) دارای $0.05\mu\text{g}/\text{ml} \leq \text{MIC} \leq 0.1\mu\text{g}/\text{ml}$ بودند و به عنوان حساس به سفووتاکسیم شناسایی شدند و ۸ نمونه (۱۳/۸) دارای $0.1\mu\text{g}/\text{ml} \geq \text{MIC}$ بودند و به عنوان مقاوم به سفووتاکسیم شناسایی گردیدند که با نتایج به دست آمده از روش دیسک دیفیوژن کاملاً مطابقت داشت. تمامی سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم به پنی سیلین نیز مقاوم ($\text{MIC} \geq 2\mu\text{g}/\text{ml}$) بودند. پس از تکثیر ژن pbp2x در سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه مورد بررسی، محصول PCR تعیین توالی گردید و با استفاده از نرم افزارهای Blast و DNA CIS، ناحیه متعلق شونده به پنی سیلین (PBD) تعیین توالی شده در سویه‌های مقاوم با یک دیگر و با سویه استاندارد حساس به پنی سیلین R6 مقایسه شد. در مقایسه بین حساسیت به پنی سیلین با تعداد تغییرات مشاهده شده در ناحیه PBP2x از PBD در مقایسه با سویه حساس به پنی سیلین مشاهده شده مورد بررسی ۲ موتاسایون (۰/۳٪ تغییر) در میان سویه‌های مقاوم به پنی سیلین شناسایی گردید. در حالی که در میان سویه‌های حساس به پنی سیلین متشاهده شده به طور متوسط ۳۶ موتاسایون (۶/۸٪ تغییر) مشاهده گردید. در مورد سویه‌هایی با مقاومت حد واسطه به پنی سیلین تغییرات مشاهده شده ۳/۵٪ بود که به طور متوسط شامل ۱۶ موتاسایون می‌گردید.

در تمامی سویه‌های مقاوم به پنی سیلین و سفووتاکسیم جانشینی در Thr338Ala/Ser/Pro دیده شد. در ۸ سویه با مقاومت حد واسطه به پنی سیلین و همگی سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم که به پنی سیلین نیز مقاوم بودند Leu546Val مشاهده گردید. در حالی که در میان سویه‌های حساس به پنی سیلین هیچ یک از موتاسایون های نامبرده شده مشاهده نگردید. موقعیت آسید آمینه ای Q254-V256 در PBP2x در ۱۰۰٪ موتاسایون می‌گردید. به هر دو آنتی‌بیوتیک پنی سیلین و سفووتاکسیم مشاهده گردید. جانشینی Met339Phe داخل موتیف STMK در تمامی نمونه‌های مقاوم به سفووتاکسیم دیده شد. در جدول یک توزیع سویه‌های بررسی شده بر اساس موتاسایون های رخداده در مجاورت جایگاه فعل pbp2x و مقاومت به پنی سیلین و سفووتاکسیم نشان داده شده است. مطابق جدول در هیچ یک از سویه‌های حساس به پنی سیلین (MIC $\leq 0.06\mu\text{g}/\text{ml}$) موتاسایونی در مجاورت نواحی کاتالیتیکی دیده نشد در حالی که تمامی سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم دارای ۴ موتاسایون عمده ذکر شده بودند.

جدول ۱. توزیع سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه بر اساس موتاسایون های رخداده در مجاورت جایگاه فعل pbp2x و مقاومت به پنی سیلین و سفووتاکسیم

Mutations	MIC _{Pn}			Cef - Resistant
	/ml $\text{MIC} \leq 0.06\mu\text{g}$	/ml $\text{MIC} \leq 1\mu\text{g}$	2 $\mu\text{g}/\text{ml}$ $0.1 \leq \text{MIC} \leq 1\mu\text{g}$	
Thr338Ala	%	%	%	%
Leu546Val	%	%	%	%
Met339Phe	%	%	%	%
Q524- V256	%	%	%	%

اهمیت این موتیف که در تمامی نمونه‌های مقاوم به هر دو آنتی‌بیوتیک پنی‌سیلین و سفووتاکسیم مانیز مشاهده گردید، با استفاده از موتازن زای در این ناحیه مورد تایید قرار گرفته است (۲۴). در بررسی‌های قبلی انجام شده بر روی توالی pbp2b سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه در ایران (۱۶) تغییرات صورت گرفته در این pbp با مقاومت به پنی‌سیلین هم خوانی داشت. در این مطالعه که بر روی تغییرات در pbp2x صورت گرفت علاوه بر همسو بودن تغییرات در pbp2x با کاهش حساسیت پذیری به پنی‌سیلین، بیشترین میزان تغییرات در pbp2x مقاوم به سفووتاکسیم مشاهده گردید. بنابراین می‌توان pbp2b و pbp2x را شاخص‌های ایجاد مقاومت اولیه در پنوموکوکها در ایران معرفی نمود. مطالعات قبلی نشان داده است که pbp2b با سفالوسپورین‌های وسیع الطیف واکنش ندارد (۳۵) و بنابراین می‌توان با توجه به نتایج ما و نتایج مطالعات قبلی (۳۶ و ۳۷) pbp2x را شاخصی مهم در ایجاد مقاومت به بتالاکتم‌ها به ویژه سفالوسپورین‌ها معرفی نمود. اگر چه شواهدی وجود دارد که تغییرات در pbp باشد اما پی‌بردن به مکانیسم گسترش مقاومت به بتالاکتم‌ها در میان استرپتوکوکوس پنومونیه پیچیده می‌باشد. در هر صورت، واضح است که تبادلات نوترکیبی بین گونه‌ای و نیز موتاسیون‌ها در ژنهای کد کننده PBP‌ها در گسترش مقاومت در استرپتوکوکوس پنومونیه نقش دارند. در مورد مقاومت بالا به پنی‌سیلین در میان نمونه‌های مورد بررسی در این مطالعه (MIC \geq 4 μ g/ml) هیچ یک از تغییرات مشاهده شده در PBP2x نمی‌تواند به عنوان عاملی قطعی در ایجاد مقاومت سطح بالا به پنی‌سیلین محسوب گردد. بنابراین به نظر می‌رسد که نیاز به بررسی‌های مولکولی بیشتری در مورد سویه‌هایی با مقاومت بالا به پنی‌سیلین می‌باشد.

نتیجه گیری

شیوع بالای سویه‌های مقاوم به بتالاکتم نشان دهنده بحرانی جدی در درمان عفونت‌های پنوموکوکی می‌باشد. نتایج ما نشان می‌دهد که تغییرات در موتیف‌های متصل شونده به پنی‌سیلین در PBP2x مرتبط با مقاومت با سفووتاکسیم در استرپتوکوکوس پنومونیه می‌باشد.

در این مطالعه، تمامی سویه‌های حساس به پنی‌سیلین دارای توالی اسید آمینه‌ای و نوکلئوتیدی مشابه با یکدیگر و با توالی pbp2x سویه استاندارد R6 بودند، در حالی که در سویه‌های غیر حساس به پنی‌سیلین و به ویژه با مقاومت بالا به پنی‌سیلین ($MIC \geq 2\mu\text{g}/\text{ml}$) و تمامی سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم توالی اسید آمینه‌ای و نوکلئوتیدی pbp2x بسیار متغیر بود. یافته‌های ما در مورد بررسی توالی اسید آمینه‌ای PBP2X در سویه‌های استرپتوکوکوس پنومونیه نشان می‌دهد که میزان تغییرات در PBP2X با افزایش مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتم مرتبه می‌باشد. به ویژه باید توجه داشت که همگی سویه‌های مقاوم به سفووتاکسیم دارای بیش ترین تغییر در توالی اسید آمینه X PBP2X بودند (جدول ۲). آنالیز توالی‌های pbp2x در نمونه‌های ما نشان می‌دهد که جانشینی‌های رخ داده در موتیف Thr338 در اغلب سویه‌های غیر حساس به پنی‌سیلین وجود دارد. این جانشینی به صورت Thr338Ala/Ser/Pro در مجاورت سرین جایگاه فعال آنزیم و در موتیف Rخ می‌دهد که در مطالعات قبلی نیز به عنوان شاخصی از تبادلات نوترکیبی با استرپتوکوک‌های ویریدانس می‌باشد اما پی‌بردن به مکانیسم گسترش مقاومت به بتالاکتم‌ها در میان استرپتوکوکوس پنومونیه پیچیده می‌باشد. در هر صورت، واضح است که تبادلات نوترکیبی بین گونه‌ای و نیز موتاسیون‌ها در ژنهای کد کننده PBP‌ها در گسترش مقاومت در استرپتوکوکوس پنومونیه نقش دارند. در مورد مقاومت بالا به پنی‌سیلین در میان نمونه‌های مورد بررسی در این مطالعه (MIC \geq 4 μ g/ml) هیچ منجر به حذف گروه هیدروکسیل در این جایگاه شده و به شدت عملکرد اسیلاسیون PBP2X را برای بتالاکتم‌ها کاهش می‌دهد (۳۰ و ۳۱). همگی نمونه‌های مقاوم به سفووتاکسیم مورد بررسی، دارای جانشینی Met339Phe بودند. در مطالعات صورت گرفته نشان داده شده است که این جانشینی فعالیت اسیلاسیون را ۳ تا ۱۰ برابر نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتم کاهش می‌دهد (۳۱). با توجه به اینکه این موتاسیون‌ها برخلاف Thr338Ala در هیچ نمونه حساس به سفووتاکسیم مشاهده نشده اند، این برای ایجاد مقاومت به سفووتاکسیم می‌گردد. در فرانسه (۳۲)، آمریکا (۳۳) و ژاپن (۳۴) نیز این موتاسیون در تمامی نمونه‌های مقاوم به سفووتاکسیم و نیز نمونه‌هایی با MIC \geq 4 μ g/ml دیده شده است. در مطالعات ما اغلب نمونه‌های غیر حساس به پنی‌سیلین و همگی نمونه‌های مقاوم به سفووتاکسیم دارای جانشینی Leu546Val بودند. به نظر می‌رسد این جانشینی به تهایی برای ایجاد مقاومت به بتالاکتم‌ها کافی نمی‌باشد اما در هر صورت نقش مهمی در ایجاد مقاومت به سفالوسپورین‌ها ایفا می‌کند. موتیف Q254-V256 در Granger اولین بار توسط و همکارانش معرفی شد (۱۴).

REFERENCES

- Appelbaum PC. Resistance among Streptococcus pneumoniae: Implications for Drug Selection. Clin Infect Dis. 2002; 34:1613–20.
- Brown RB, Harwell JI. Drug-Resistant Pneumococcus Clinical Relevance, Therapy, and Prevention. Chest. 2000; 117:530-541.
- Crook DWM, Spratt BG. Multiple antibiotic resistance in Streptococcus pneumoniae. British Medical Bulletin. 1998; 54: 595-610.
- Garcia Leoni EM, Cercenado AM. Susceptibility of Streptococcus pneumoniae to penicillin. Clin Infect Dis. 1992; 14: 427-435.

5. Davies TA, He W, Bush K, Flamm RK. Affinity of ceftobiprole for penicillin-binding protein 2b in *Streptococcus pneumoniae* strains with various susceptibilities to penicillin. *Antimicrob Agents Chemother.* 2010; 54(10): 4510-4512
6. Dowson CG, Coffey TJ, Kell C, Whiley RA. Evolution of penicillin resistance in *Streptococcus pneumoniae*; the role of *Streptococcus mitis* in the formation of a low affinity PBP2B in *S. pneumoniae*. *Mol. Microbiol.* 1993; 9: 635–643.
7. Coffey TJ, Dowson CG, Daniels M. Horizontal spread of an altered penicillin-binding protein 2B gene between *Streptococcus pneumoniae* and *Streptococcus oralis*. *FEMS Microbiol Lett.* 1993; 110: 335–340.
8. Potgieter E, Koornhof HJ, Chalkley LJ. Penicillin-binding proteins in *Streptococcus mitis*. *Curr Microbiol.* 1992; 24: 289–294.
9. Macheboeuf P, Contreras-Martel C, Job V, Dideberg O, Dessen A. Penicillin Binding Proteins: key players in bacterial cell cycle and drug resistance processes. *FEMS Microbiol Rev.* 2006; 30: 673-691.
10. Hakenbeck R, Coyette J. Resistant penicillin-binding proteins. *CMLS Cell Mol Life Sci.* 1998; 54: 332-340.
11. Nichol KA, Adam HJ, Karlowsky JA, Zhanel GG, Hoban DJ. Increasing genetic relatedness of ciprofloxacin-resistant *Streptococcus pneumoniae* isolated in Canada from 1997 to 2005. *Antimicrob Agents Chemother.* 2008; 52(3):1190-1194.
12. Clinical and Laboratory Standards Institute. Methods for dilution antimicrobial susceptibility tests for bacteria that grow aerobically, 8th ed. Approved standard M07-A8. Clinical and Laboratory Standards Institute, Wayne, PA. 2009. And Performance standards for antimicrobial susceptibility testing; 19th informational supplement. CLSI document M100-S18. Clinical and Laboratory Standards Institute, Wayne, PA. 2009.
13. Llull D, Lopez R, Garcia E. Characteristic signatures of the *lytA* gene provides a basis for rapid and reliable diagnosis of *Streptococcus pneumoniae* infections. *J Clin Microbiol.* 2006; 44(4): 1250-1256.
14. Granger D, Boily-Larouche G, Turgeon P, Weiss K, Roger M. Genetic analysis of *pbp2x* in clinical *Streptococcus pneumoniae* isolates in Quebec, Canada. *J Antimicrob Chemother.* 2005; 55: 832–9.
15. Linars J, Alonso T. Decreased susceptibility of penicillin resistant *Pneumococci* to twenty four betalactam antibiotics. *J Antimicrob Chemother.* 1992; 30: 279-288.
16. Oskoui M, Nobari S, Rahmati Ghezelgeh F, Shaghaghi B, Amirmozaffari N. Molecular characterization of PBP2b in clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae*. *Iranian J Med. Microbiology.* 2010; 4(1): 1-9.
17. Bakhshaei M, Ghazvini K, Naderi HR, Zamanian A, Haghghi J, Boghrabadian M. The prevalence of nasopharyngeal streptococcal pneumonia carriers in Mashhad day care children and their antibiotic resistance pattern. *The Iranian Journal of Otorhinolaryngology.* 2006; 18(45): 119-126.
18. Song JH, Lee NY, Ichiyama S. Spread of drug-resistant *Streptococcus pneumoniae* in Asian countries: Asian Network for Surveillance of Resistant Pathogens (ANSORP) Study. *Clin Infect Dis.* 1999; 28: 1206–1211.
19. Perez-Trallero E, Garcia-de-la-Fuente C, Garcia-Rey C. Geographical and ecological analysis of resistance, coresistance, and coupled resistance to antimicrobials in respiratory pathogenic bacteria in Spain. *Antimicrob Agents Chemother.* 2005; 49: 1965–1972.

20. Coffey TJ, Daniels M, McDougal LK, Dowson CG, Tenover FC, Spratt BG. Genetic analysis of clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae* with high-level resistance to expanded-spectrum cephalosporins. *Antimicrob Agents Chemother.* 1995; 39: 1306–1313.
21. Chalkley LJ, Schuster C, Potgieter E, Hakenbeck R. Relatedness between *Streptococcus pneumoniae* and viridans streptococci: transfer of penicillin resistance determinants and immunological similarities of penicillin-binding proteins. *FEMS Microbiol Lett.* 1991; 90: 35–41.
22. Granger D, Boily-Larouche G, Turgeon P, Weiss K, Roger M. Molecular characteristics of pbp1a and pbp2b in clinical *Streptococcus pneumoniae* isolates in Quebec, Canada. *J Antimicrob Chemother.* 2006; 57: 61–70.
23. Baquero F. Pneumococcal resistance to β-lactam antibiotics. *Microb Drug Resist.* 1995; 1: 115–120.
24. Chesnel L, Carapito R, Croizé J, Dideberg O, Vernet T, Zapun A. Identical Penicillin-Binding Domains in Penicillin-Binding Proteins of *Streptococcus pneumoniae* Clinical Isolates with Different Levels of β-Lactam Resistance. *Antimicrob Agents Chemother.* 2005; 49: 2895–2902.
25. Coffey TJ, Berron S, Daniels M, Garcia-Leoni ME, Cercenado E, Bouza E, et al. Multiply antibiotic-resistant *Streptococcus pneumoniae* recovered from Spanish hospitals (1988–1994): novel major clones of serotypes 14, 19F, and 15F. *Microbiology.* 1996; 142: 2747–2757.
26. Dowson CG, Hutchison A, Branningan JA, et al. 1989. Horizontal transfer of penicillin-binding protein genes in penicillin-resistant clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae*. *Proc. Natl. Acad. Sci. USA* 86:8842–8846.
27. Laible G, Spratt BG, Hakenbeck R. Interspecies recombinational events during the evolution of altered PBP 2x genes in penicillin resistant clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae*. *Mol Microbiol.* 1991; 5: 1993–2002.
28. Mouz N, Gordon E, Di Guilmi AM, Petit I, Petillot Y, Dupont Y, et al. Identification of a structural determinant for resistance to β-lactam antibiotics in gram-positive bacteria. *Proc Natl Acad Sci USA.* 1998; 95: 13403–13406.
29. Pares S, Mouz N, Pétillot Y, Hakenbeck R, Dideberg O. X-ray structure of *Streptococcus pneumoniae* PBP2x, a primary penicillin target enzyme. *Nat Struct Biol.* 1996; 3: 284–9.
30. Nichol KA, Zhanell GG, Hoban DJ. Penicillin-binding protein 1A, 2B, and 2X alterations in Canadian isolates of penicillin-resistant *Streptococcus pneumoniae*. *Antimicrob Agents Chemother.* 2002; 46: 3261–3264.
31. Chesnel L, Pernot L, Lemaire D, Champelovier D, Croizé J, Dideberg O, et al. The structural modifications induced by the M339F substitution in PBP2x from *Streptococcus pneumoniae* further decreases the susceptibility to β-lactams of resistant strains. *J Biol Chem.* 2003; 278: 44448–44456.
32. Du Plessis M, Bingen E, Klugman KP. Analysis of penicillin binding protein genes of clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae* with reduced susceptibility to amoxicillin. *Antimicrob Agents Chemother.* 2002; 46: 2349–2357.
33. Ferroni A, Berche P. Alterations to penicillin-binding proteins 1A, 2B, and 2X amongst penicillin-resistant clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae* serotype 23F from the nasopharyngeal flora of children. *J Med Microbiol.* 2001; 50: 828–832.

34. Nagai K, Davies TA, Jacobs MR, Appelbaum PC. Effects of amino acid alterations in penicillin-binding proteins (PBPs) 1a, 2b, and 2x on PBP affinities of penicillin, ampicillin, amoxicillin, cefditoren, cefuroxime, cefprozil, and cefaclor in 18 clinical isolates of penicillin-susceptible, -intermediate, and -resistant pneumococci. *Antimicrob Agents Chemother.* 2002; 46: 1273–1280.
35. Contreras-Martel C, Job V, Di Guilmi AM, Vernet T, Dideberg O, Dessen A. Crystal Structure of Penicillin-binding Protein 1a (PBP1a) Reveals a Mutational Hotspot Implicated in β -Lactam Resistance in *Streptococcus pneumoniae*. *J Mol Biol.* 2006; 355: 684–696.
36. Hakenbeck R, Tornette S, Adkinson NF. Interaction of nonlytic β -lactams with penicillin-binding proteins in *Streptococcus pneumoniae*. *J Gen Microbiol.* 1987; 133: 755–760.
37. Munoz R, Dowson CG, Daniels M, Coffey TJ, Martin C, Hakenbeck R, et al. Genetics of resistance to third-generation cephalosporins in clinical isolates of *Streptococcus pneumoniae*. *Mol Microbiol.* 1992; 6: 2461–2465.