

آلودگی چونده رومبومیس اپیموس به انگل لیثمانیا ماژور در کانون لیثمانیوز جلدی روستایی شهرستان دامغان

صادق محمدی ازنی^{۱*}، یاور رائی^۲، محمدعلی عشاقی^۳، مهدی محبعلی^۴، محمدرضا عبایی^۵، هما حجاران^۶

۱. کارشناس ارشد حشره شناسی پزشکی و مبارزه با ناقلین، مرکز بهداشت شهرستان دامغان، دانشگاه علوم پزشکی سمنان
۲. حشره شناس پزشکی و مبارزه با ناقلین، استاد دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران
۳. حشره شناس پزشکی و مبارزه با ناقلین، دانشیار دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران
۴. انگل شناس و قارچ شناس پزشکی، استاد دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران
۵. حشره شناس پزشکی و مبارزه با ناقلین، مربی دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران
۶. انگل شناس قارچ شناس پزشکی، دانشیار دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران

* نشانی برای مکاتبه: دانشگاه علوم پزشکی دامغان، مرکز بهداشت دامغان، sadegh_azni@yahoo.com

پذیرش برای چاپ: دی نود

دریافت مقاله: آذر نود

چکیده

سابقه و هدف: لیثمانیوز جلدی روستایی کی از بیماری های شایع و مهم در جهان و ایران است. در این نوع بیماری چونندگان به عنوان مخزن بیماری نقش ایفا می کنند. شناسایی مخزن بیماری جهت اجرای برنامه کنترل اهمیت زیادی دارد. این مطالعه به منظور تعیین مخزن بیماری و بررسی آلودگی چونندگان به انگل لیثمانیا در مناطق روستایی شهرستان دامغان در سال ۱۳۸۷ صورت گرفت. **روش کار:** این مطالعه از نوع کاربردی است که در تابستان سال ۱۳۸۷ انجام شد. چونندگان با استفاده از تله های زنده گیر و طعمه مناسب صید شدند. از چونندگان پس از تعیین هویت نمونه برداری به عمل آمد که به صورت تهیه اسمیر و کشت در محیط RPMI1640 بود. اسمیر های تهیه شده رنگ آمیزی گیمسا شده و از نظر وجود اجسام لیثمن بررسی شدند. محیط کشت و اسمیر های تهیه شده از چونده در فرایند استخراج DNA قرار گرفتند. به منظور جستجو برای انگل لیثمانیا از تکنیک Nested PCR با تکثیر kDNA استفاده شد.

یافته ها: تعداد ۱۰ چونده رومبومیس اپیموس به وسیله تله های زنده گیر صید و تعیین هویت شد. آزمایشات نشان داد تعداد^۴ چونده رومبومیس اپیموس (۴۰٪) آلوده به انگل لیثمانیا ماژور هستند.

نتیجه گیری: با توجه به وفور بالای رومبومیس اپیموس و آلودگی بالای آن به انگل لیثمانیا ماژور می توان نتیجه گرفت که این گونه مخزن اصلی بیماری لیثمانیوز جلدی نوع روستایی در منطقه تحت مطالعه است. لذا به منظور کنترل بیماری در منطقه مبارزه با چونندگان در شعاع ۵۰۰ متری اماکن انسانی توصیه می شود.

واژگان کلیدی: لیثمانیوز جلدی روستایی - رومبومیس اپیموس - لیثمانیا ماژور - PCR - دامغان

مقدمه

انسان منتقل می شود. مخزن بیماری چونندگان وحشی می باشد که توانایی نگره داری انگل در بدن خود را دارند و موجب آلودگی پشه خاکی ها در حین خون خواری از آنها می شوند (۱، ۲، ۵). در مناطق مختلف ایران گونه های مختلفی از چونندگان به عنوان مخزن نقش ایفا می کنند به طوریکه رومبومیس اپیموس در قسمت های مرکزی و شمال شرقی کشور، تاترا ایندیکا و نزوکیا ایندیکا در قسمت های جنوب و جنوب غربی، مریونس هوربانه در جنوب شرقی و مریونس لیبیکوس در شمال نطنز و برخی از شهرهای استان فارس مخزن اصلی مطرح هستند. همچنین نقش مریونس لیبیکوس به عنوان مخزن ثانویه در برخی نقاط مانند اصفهان، لطف آباد، ترکمن صحرا و خوزستان ثابت شده است (۱-۶).

لیثمانیوز جلدی یکی از بیماریهای مشترک بین انسان و حیوان می باشد که در بیش از ۸۸ کشور دنیا و به دو شکل خشک (شهری) و مرطوب (روستایی) دیده می شود. معمولاً بیماری به صورت زخم هایی در نقاط باز بدن که بیشتر در معرض گزش پشه خاکی است بروز پیدا می کند. ضایعات در نوع شهری غالباً روی صورت و در نوع روستایی بیشتر بر روی دست و پا ظاهر می شوند (۳-۱). بیماری در ایران نیز به صورت بومی وجود دارد، بطوریکه در بیش از نیمی از استانهای کشور ما گزارش شده است (۴). استان سمنان نیز یکی از مناطق مهم کشور می باشد که هر ساله موارد زیادی بیماری لیثمانیوز جلدی روستایی از آن گزارش می شود و بیشترین بروز مربوط به دو شهرستان شاهرود و دامغان می باشد. در لیثمانیوز جلدی نوع روستایی عامل بیماری انگل لیثمانیا ماژور می باشد که توسط گزش ناقل بیماری که پشه خاکی می باشد به میزبان های مختلف از جمله

انگل L.major طول باند ۵۶۰ bp ایجاد می نماید. مشخصات پرایمر های استفاده شده در جدول ۱ آورده شده است.

جدول ۱: مشخصات پرایمر های مورد استفاده در تکثیر kDNA انگل لیشمانیا

نام واکنش	نام پرایمر	توالی
مرحله اول Nested PCR	CSB 2XF	5'- C/GA/GTA/GCAGAAAC/TCC CGTTCA-3'
	CSB 1XR	5'- ATTTTTTCG/CGA/TTTT/CGC AGAACG-3'
مرحله دوم Nested PCR	13Z	5'- ACTGGGGGTTGGTGTA TAG-3'
	LIR	5'-TCGAGAACGCCCT-3'

مواد لازم برای مرحله اول PCR برای هر نمونه که تمامی آنها از شرکت سیناژن ایران تهیه شد شامل: Taq DNA Polymerase به میزان ۰/۷۵ میکرولیتر، بازهای دئوکسی نوکلئوتید ۲/۵ میلی مول، کلرومنیزوم دو میلی مول، بافر PCR ۲/۵ میکرولیتر و میزبان ۲-۷ میکرولیتر DNA مربوط به جوند ۴۰ نانوگرم از آغازگرهای CSB2XF و CSB1XR بود. حجم کل واکنش را با اضافه کردن مقدار مناسب ddH₂O به ۲۰ میکرولیتر رسانده شد و در دستگاه Thermocycler با مشخصات Ependorf مدل Personal برنامه حرارتی (مرحله اول: دمای ۹۴°C به مدت ۵ دقیقه، مرحله دوم که ۳۰ بار تکرار گردید: ۱- دمای ۹۴°C به مدت ۳۰ ثانیه ۲- دمای ۵۵°C به مدت ۱ دقیقه ۳- دمای ۷۲°C به مدت ۹۰ ثانیه) جهت تکثیر قطعه خالص DNA استفاده شد.

از محصول PCR به دست آمده در مرحله بالا برای PCR مرحله دوم استفاده شد. بدین صورت که مقدار ۱ میکرولیتر از محصول مرحله اول را با ۹ میکرولیتر ddH₂O مخلوط کرده و از این مخلوط مقدار ۲ میکرولیتر جهت مرحله دوم PCR استفاده شد. آغازگرهای این مرحله 13Z و LIR بوده اند. سایر مواد بکار رفته همانند مرحله اول بود. حجم نهایی واکنش را با اضافه کردن مقدار مناسب ddH₂O به ۳۰ میکرولیتر رسانده و برنامه PCR همانند مرحله اول اجرا شد.

پس انجام مرحله دوم Nested PCR، محصول واکنش آن بر روی ژل آغازز یک درصد حاوی اتیدیوم بروماید الکتروفورز شد. سپس بر روی دستگاه ایلومیناتور گذاشته و در صورت مشاهده باندهای DNA، از آن عکسبرداری شد و گونه انگل با توجه به شاخص وزنی محصولات PCR تشخیص داده شد.

یافته ها

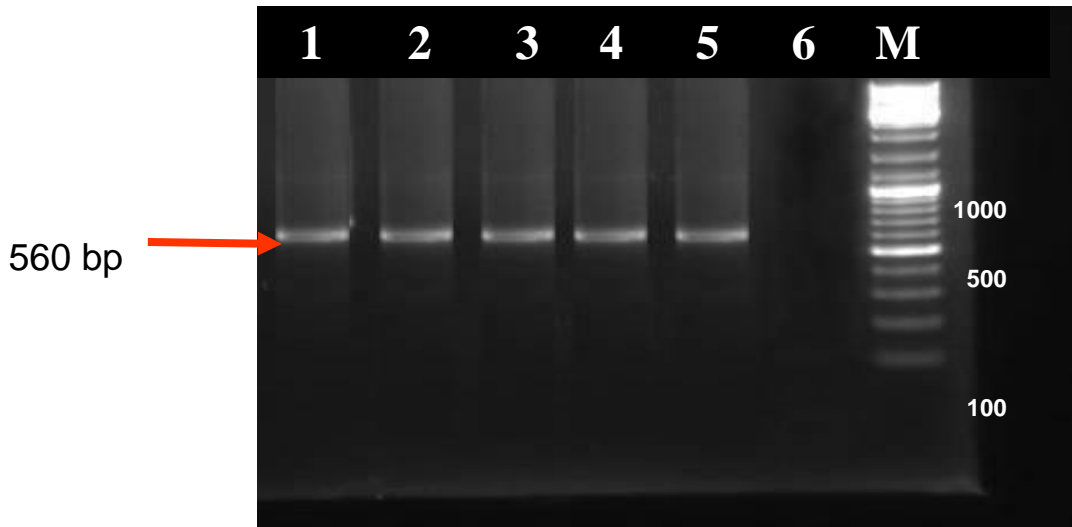
در این تحقیق در روستاهای تحت مطالعه شهرستان دامغان تعداد ۱۰ جوند رومبومیسی اپیموس توسط تله های زنده گیر صید و تعیین هویت شد. در مطالعه میکروسکوپی لام های گرفته شده از گوش جونده مشاهده محیط های کشت مشخص شد که تعداد چهار جوند رومبومیسی اپیموس آلوده به انگل لیشمانیا هستند. پس از پایان آزمایشات Nested PCR و الکتروفورز محصولات واکنش، باندهای مشاهده شده ۵۶۰ bp بود که نشان گر آلودگی به انگل لیشمانیا ماژور می باشد (تصویر ۱). این آزمایشات نشان داد که ۴۰٪ درصد نمونه های جوندگان مورد آزمایش آلوده به انگل لیشمانیا ماژور هستند.

جهت برآورد میزان آلودگی لیشمانیایی مخازن روش های کلاسیک از جمله روش های میکروسکوپی، کشت انگل و تریپ به حیوان حساس آزمایشگاهی وجود دارد. این روش ها پر زحمت و وقت گیر بوده و قادر به تعیین گونه و زیر گونه انگل نیستند و لازم است از سایر روش های تکمیلی نظیر مطالعات ایزوآنزیمی برای تعیین گونه و زیر گونه انگل جداسازی شده استفاده گردد که این روشها هم دارای محدودیت هایی هستند. از آن جمله می توان به حساسیت پایین در موارد کم بودن انگل و دشواری انجام مراحل آن به ویژه زمانی که لازم است مطالعه در سطح وسیعی انجام شود اشاره کرد. همچنین بروز آلودگی در هنگام انتقال به محیط کشت و عدم امکان رشد پروماستیگوت های گونه های مختلف در شرایط وجود آلودگی مخلوط ز موارد محدود کننده می باشد (۱۱). در روش های نوین مولکولی مبتنی بر PCR مشکلات فوق کمتر شده و با استفاده از مقدار کمی از DNA بافت آلوده می توان برای جستجوی انگل اقدام نمود (۱۲، ۱۳). جهت یافتن آلودگی به انگل لیشمانیا از بخش های مختلف ژنوم انگل استفاده می شود. بهترین روش برای جستجوی انگل و بررسی های اولیه استفاده از minicircle kDNA است چرا که در هر سلول حدود ۱۰ هزار کپی از آن وجود دارد (۱۱، ۱۴، ۱۵). این مطالعه به منظور تعیین مخزن بیماری و بررسی آلودگی جوندگان به انگل لیشمانیا در مناطق روستایی شهرستان دامغان در سال ۱۳۸۷ صورت گرفته است. نوع مطالعه کاربردی بوده و به روش مقطعی انجام گرفته است. برای تعیین هویت انگل لیشمانیای جدا شده از جوندگان روش PCR با تکثیر kDNA به کار گرفته شد. این پژوهش اولین تحقیق جهت تعیین آلودگی جوندگان به روش فوق الذکر در استان سمنان می باشد.

روش کار

با توجه به آمار مرکز بهداشت شهرستان دامغان در خصوص موارد لیشمانیوز جلدی صید جونده در روستاهای آلوده انجام گردید. به منظور صید جونده از تله های سیمی زنده گیر با طعمه های مختلف نظیر خیار، گوجه فرنگی، گردو و نان تفت داده در روغن استفاده شده است. فاصله لانه های جوندگان از روستاهای تحت مطالعه کمتر از ۵۰۰ متر بود. به این منظور در ماه های مختلف سال در هر نوبت اقدام به نصب حداقل ۲۰ و حداکثر ۴۰ عدد تله زنده گیر در نواحی حاشیه ای روستاهای تحت مطالعه شد. تله گذاری در تمام مدت شبانه روز انجام شد. جوندگان پس از صید به منظور تشخیص گونه و بررسی آلودگی به آزمایشگاه انتقال داده شدند. در آزمایشگاه جهت بیپوش کردن آنها از کتامین استفاده شد. پس از بیپوشی، گوش جونده با صابون مایع شستشو و آبکشی شد. پس از ضد عفونی کردن محل ضایعه با بتادین رقیق و الکل با استفاده از واکسینواستیل استریل مقداری از سرزیتته در کنار شعله درون محیط های کشت NNN و RPMI منتقل گردید. همچنین از محل تهیه سرزیتته گسترش های نازک بر روی لام های آزمایشگاهی تهیه شد. محیط های کشت پس از افزودن آنتی بیوتیک های مناسب به انکوباتور منتقل شدند. گسترش های تهیه شده بر روی لام ها پس از فیکساسیون با متانول، به وسیله گیمسا رنگ آمیزی و مورد مطالعه میکروسکوپی قرار گرفتند. جوندگان صیده شده نیز با استفاده از خصوصیات مرفولوژیک با استفاده از کلید تشخیص معتبر تا حد گونه تشخیص داده شد (۱۶).

به منظور استخراج DNA انگل لیشمانیا از روی لام و محیط کشت از کیت مخصوص (Bioneer, South Korea) استفاده شد. در این مطالعه، برای تشخیص آلودگی از روش حساس دو مرحله ای Nested PCR و پرایمرهای طراحی شده توسط Noyes و همکاران استفاده شد (۱۷). این پرایمرها بر اساس ناحیه حفاظت شده حلقه های کوچک kDNA (Minicircle) طراحی شده و برای انگل های L.infantum و L.donovani محصول PCR به طول ۶۸۰ bp برای انگل L.tropica طول باند ۷۵۰ bp و برای



تصویر ۱: الکتروفورز محصول PCR تکثیر kDNA : ستون ۴-۱: انگل لیشمانیا ماژور جدا شده از رومبومیس ایپموس، ستون ۵: لیشمانیا ماژور استاندارد (MHOM/IR/54/LV39)، ستون ۶: کنترل منفی و M: نشانگر ۱۰۰ جفت بازی سیناژن

بحث

کنترل لیشمانیوز در مناطق بومی نیازمند آگاهی از اکولوژی و اپیدمیولوژی مخزن بیماری است. مشخص شدن مخزن مستلزم جدا کردن انگل عامل بیماری از آن می باشد (۱۸،۱۹).

مهمترین مزایای روش های مولکولی حساسیت و ویژگی آن و عدم وابستگی و به تعداد انگل لیشمانیا می باشد زیرا در روش کلاسیک نظیر کشت و تزریق به حیوان حساس سختی کار، حجم زیاد نمونه ها و امکان آلودگی انگل جدا شده مطرح است. افزون بر آن بعد از جدا سازی موفقیت آمیز انگل بایستی با کمک روش های مولکولی مانند تکنیک PCR و یا روش ایزوآنزیم به تعیین هویت انگل اقدام نمود (۱۱-۱۳). در این مطالعه برای تعیین هویت انگل از روش Nested PCR با تکثیر kDNA مربوط به انگل لیشمانیا در نمونه های جدا شده از جوندگی استفاده شد. نتایج این مطالعه در تکثیر kDNA نشان داد این قسمت برای یافتن آلودگی و تعیین گونه بسیار مناسب است به علت اینکه از این قسمت از ژنوم به تعداد زیادی در انگل موجود می باشد لذا می توان از این روش جهت تعیین آلودگی و بررسی گونه های انگل لیشمانیا در ناقلین و زخم های انسانی نیز استفاده کرد (۲۱، ۲۰، ۱۷).

نتایج این تحقیق نشان داد که انگل جدا شده لیشمانیا ماژور بوده که عامل بیماری لیشمانیوز جلدی نوع روستایی است (۱). در این تحقیق جوندگی رومبومیس ایپموس آلوده به انگل لیشمانیا ماژور بود که با توجه به وفور بالا در منطقه، این جوندگی غالب بوده و از آنجا که ۴۰٪ آنها آلودگی داشته اند، می توان نتیجه گرفت که مخزن اصلی بیماری لیشمانیوز جلدی نوع روستایی در منطقه می باشد. این گونه، مخزن اصلی لیشمانیوز جلدی روستایی در قسمت های شمال و شمال شرقی کشورمان نیز می باشد. کانون های این مناطق شامل اصفهان، ترکمن صحرا، لطف آباد، اسفراین، شاهرود، ورامین و ابردژ می باشند (۱، ۱۴-۲۲).

حضور جوندگی رومبومیس ایپموس با وفور نسبتاً بالا، نزدیکی محل زندگی انسان با لانه جوندگان، توسعه فعالیت های کشاورزی، وجود شرایط مناسب مانند کشت غلات در منطقه به بومی بودن بیماری در منطقه کمک کرده است. لذا جهت کاهش بروز بیماری می بایست کنترل جوندگان در برنامه ریزی های بهداشتی در اولویت قرار گیرد.

به منظور کنترل بیماری در منطقه پیشنهاد می گردد برنامه مبارزه با جوندگان با استفاده از طعمه مسموم ۲/۵ درصد سم فسفر دوزنگ در شعاع ۵۰۰ متری روستاهای آلوده انجام گردد. عملیات مبارزه با مخزن در سال اول ۴ بار در ماههای اردیبهشت، خرداد، تیر و شهریور صورت گیرد و پس از آن هر دو سال یک بار در ماه اردیبهشت قبل از فعالیت پشه خاکی ها توصیه می گردد (۲۵، ۲۶، ۱۸، ۱۹).

نتیجه گیری

باتوجه به نتایج این تحقیق جوندگی رومبومیس ایپموس مخزن اصلی و قطعی بیماری لیشمانیوز جلدی در منطقه است. لذا جهت پیشگیری و کنترل بیماری اجرای روش های مناسب مبارزه با این جوندگی پیشنهاد می گردد.

تشکر و قدردانی

این مقاله حاصل بخشی از پایان نامه تحت عنوان « بررسی ناقلین و مخازن لیشمانیوز جلدی روستایی در کانون شهرستان دامغان - استان سمنان » در مقطع کارشناسی ارشد در سال ۱۳۸۷ و کد ۴۱۹۵ می باشد که در قالب طرح تحقیقاتی مصوب سال ۱۳۸۶ به کد ۶۷۳۰ با حمایت دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی درمانی تهران اجرا شده است. به این وسیله از حمایت کنندگان این طرح سپاس گذاری می شود.

REFERENCES

1. Nadim A, Javadian E, Mohebali M, Momeni A. *Leishmania and Leishmaniasis*. 3th ed. Tehran: Nashre DaneshgahiCenter Press; 1994(Persian)
2. Rassi Y ,Hanafi bojd AA. *Sand fly, The vector of leishmaniasis*.1th ed. Tehran:Noavaran Elm publication;2006(Persian)
3. Nilforushzadeh MA Sadeghian G. *Cutaneous Leishmaniasis*.1th d. Tehran: Oruj publication; 2002(Persian)
4. Akhavan AA, Yaghoobi-Ershadi MR, Hasibi F, Jafari R, Abdoli H, Arandian MH, Soleimani H. Epidemiological survey in a new focus of zoonotic cutaneous leishmaniasis in Southern Iran. In: *Proceeding of 11th International Congress of Parasitology (ICOPA)*,Glasgow Scotland;2006
5. Killick-Kendrick R. the biology and control of Phlebotominae sand flies, *Med. Vet. Entomol* 1999 ; 17: 279-289.
6. Mohebali M., Javadian E., Yaghoobi-Ershadi M.R., Akhavan A.A., Hajjaran H., Abaei M.R. Characterization of *Leishmania* infection in rodents from endemic areas of the I.R. of Iran. *East Mediterr Hlth J* 2004;10: 591-9.
7. Rassi Y., Javadian E., Amin M., Rafizadeh S., Vatandoost H., Motazedian H. *Meriones libycus* is the main reservoir of zoonotic cutaneous leishmaniasis in south Islamic Republic of Iran. *East Mediterr Health J* 2006;12(3-4): 474-7.
8. Yaghoobi-Ershadi MR, Hanafi-Bojd, AA, Akhavan AR, Zahrai-ramazani AR Mohebali M .Epidemiological study in a new focus of cutaneous leishmaniasis due to *Leishmania major* in Ardestan town, central Iran. *Acta Tropica* 2001;79: 115-21.
9. Rassi Y., Sofizadeh A., Abai MR., Oshaghi MA., Rafizadeh S., Mohebail M., Mohtarami F.,Salahi R. Molecular Detection of *Leishmania major* in the Vectors and Reservoir Hosts of Cutaneous Leishmaniasis in Kalaleh District, Golestan Province, Iran. *Iranian Journal of Arthropod-Borne Diseases* 2008; 2(2) : 21-27.
10. Yaghoobi-Ershadi M.R., Akhavan AA., Mohebali M. *Meriones Libycus* and *Rhombomys opimus* (Rodentia: Gerbillidae) are the main reservoir hosts in new focus of ZCL in Iran. *Trans .R .Soc .Trop .Med .Hyg* 1996; 95: 503-504.
11. Aransay A.M., Scoulica E., Tselentis Y. Detection and Identification of *Leishmania* DNA within Naturally Infected sand Fleis by Semi-Nested PCR on Minicircle Kinetoplast DNA. *Aplied and Environmental Microbiology* 2000;66(5):1933-38
12. Alvar J., Baker J.R. molecular tools for epidemiological studies and diagnosis of leshmaniasis and selected other parasitic disease. *Trans. R. Soc. Trop. Med. Hyg* 2002;96(Supp1.1):S1-S250.
13. Singh S. New developments in diagnosis of leishmaniasis. *Indian J Med Res* 2006; 123: 311-30.
14. Parvizi P., Mauricio I., Aransay AM., Miles MA., Ready PD. First detection of *Leishmania major* in peridomestic *Phlebotomus papatasi* from Isfahan province, Iran: comparison of nested-PCR of nuclear ITS ribosomal DNA and semi-nested PCR of minicircle kinetoplast DNA. *Acta. Trop*2005; 93(1): 75-83
15. Banuls AL, Hide M, Prugnolle F. *Leishmania* and the Leishmaniases: A Parasite Genetic Update and Advances in Taxonomy, Epidemiology and Pathogenicity in Humans. *Adv Parasitol* 2007; 64: 1-109

16. Etemad E .Mammalians of Iran.Vol.1: Rodents and their identify key. Tehran: natural source protection institute publication; 1978(Persian)
17. Noyes HA., Reyburn H., Bailey J.W., Smith D.A. nested-PCR-based schizodeme method for identifying Leishmania kinetoplast minicircle classes directly from clinical samples and its application to the study of the epidemiology of Leishmania tropica in Pakistan. J Clin Microbiol 1998;36(10): 2877-81.
18. Desjeux P. Information of the epidemiology and control of the leishmaniasis by county or teriritory.WHO;1991,91:30-47.
19. WHO.Control of leishmaniasis technical report services. Geneva:WHO;1990,18:793
20. Oshaghi MA., Ravasan NM., Javadian EA., Rassi Y., Sedaghat MM., Mohebali M., Hajjaran H. Development of species-specific PCR and PCR-Restriction Fragment Length Polymorphism assays for L.infantum/L.donovani discrimination. Exp Parasitol. 2009;122: 61-65
21. Oshaghi MA., Maleki Ravasan N., Javadian E., Mohebali M., Hajjaran H., Zare Z., Mohtarami F., Rassi Y. Vector Incrimination of Sand Flies in the Most Important Visceral Leishmaniasis Focus in Iran. Am. J. Trop. Med. Hyg., 81(4), 2009, pp. 572-577
22. Abai MR, Rassi Y, Imamian H , Fateh M, Mohebali M, Rafizadeh S , et al. PCR based on identification of vectors of zoonotic cutaneous Leishmaniasis in Shahrood District, Central of Iran.Pakistan Journal of Biological Science2007;10(12):2061-2065
23. Mohebali M, Javadian E, Yaghoobi-Ershadi MR, Akhavan AA, HajjaranH, Abaei MR. Characterization of Leishmania infection in rodents from endemic areas of the I.R. of Iran. East Mediterr Health J 2004;10:591-9.
24. Yaghoobi-Ershadi M.R., Jafari R., Hanafi-Bojd A.A., A new epidemic focus of zoonotic leishmaniasis in central Iran. Ann. Saudi. Med 2004;2: 98-101.
25. Islamic Republic of Iran Ministry of Heath & Medical Education. [Instruction of leishmaniasis Control]. Tehran: Center for disease control.2007:78 (Persian).
26. Yaghoobi Ershdi MR , Akhavan AA , Zahraei Ramezani AR , Javadian E, Motavalli Emami M. Field trial for the control of zoonotic cutaneous leishmaniasis in Badrood, Iran.Ann Saudi Med 2000 ; 20(5-6):386-89